

Veille scientifique

Pierre Poulain

pierre.poulain@univ-paris-diderot.fr

M2 BI – 11/2011



À l'exception des illustrations et images dont les crédits sont indiqués à la fin du document et dont les droits appartiennent à leurs auteurs respectifs, le reste de ce cours est sous licence Creative Commons Paternité (CC-BY).

<http://creativecommons.org/licenses/by/2.0/fr/>

Veille scientifique

(en bioinformatique)

Identifier

ce qui se fait
découvertes

qui le fait
acteurs

comment c'est fait
méthodes / compétences

Littérature scientifique : au secours !

700 000
articles dans
PubMed en 2010

25 400 journaux en science, technologies et médecine (2009)

Quelques outils

Pubmed, esp@cenet

Google Scholar, Scirus

LinkedIn, Viadeo

Twitter...



Publications : Pubmed

`http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed`

Recherche par affiliation (labo/entreprise) :

`lasim[affiliation]`

! affiliations incomplètes dans pubmed :

`lasim[all fields]`

Brevets : esp@cenet

<http://fr.espacenet.com/advancedSearch>

recherche de brevets

national / européen / mondial

[Recherche rapide](#)
[Recherche avancée](#)
[Recherche par N°](#)
[Dernière liste de résultats](#)
[Ma liste de brevets](#) 0
[Recherche dans la Classification](#)
[Aide](#)
Aide rapide

- » Quelle couverture pour chacune des bases de données ?
- » Combien de termes puis-je entrer dans chaque champ ?
- » Comment rechercher sur une combinaison de mots ?
- » Comment utiliser des troncatures ?
- » Qu'est-ce qu'un N° de publication, de demande ou de priorité ?
- » Comment entrer un N° de publication, de demande ou de priorité ?
- » Quelle est la différence entre les Classifications CIB et ECLA ?
- » Comment entrer une période comprise entre 2 dates ?
- » Comment savoir quel est le document le plus récent disponible pour un pays donné ?

Recherche avancée

1. Base de données

Base FR-esp@cenet= FR + EP + WO, en français

Choisissez:

2. Critères de recherche

Entrez vos mots-clés en français sur la base FR-esp@cenet, en anglais sur la base Worldwide.

Mots-clés dans le titre:	<input type="text"/>	e.g. motor
Mots-clés dans le titre ou l'abrégié:	<input type="text"/>	e.g. hair
N° de publication:	<input type="text"/>	e.g. EP1883031
N° de demande:	<input type="text"/>	e.g. EP20070010825
N° de priorité:	<input type="text"/>	e.g. DE20021036409
Date de pub:	<input type="text"/>	e.g. 20070919
Demandeur(s):	<input type="text"/>	e.g. IBM
Inventeur(s):	<input type="text"/>	e.g. Siemens
Classification européenne (ECLA):	<input type="text"/>	
Classification internationale des brevets (CIB):	<input type="text"/>	e.g. H02M7/537 H03K17/687

[Recherche rapide](#)
[Recherche avancée](#)
[Recherche par N°](#)
[Dernière liste de résultats](#)
[Ma liste de brevets](#) **0**
[Recherche dans la Classification](#)
[Aide](#)
Aide rapide

- » Quelle couverture pour chacune des bases de données ?
- » Combien de termes puis-je entrer dans chaque champ ?
- » Comment rechercher sur une combinaison de mots ?
- » Comment utiliser des troncatures ?
- » Qu'est-ce qu'un N° de publication, de demande ou de priorité ?
- » Comment entrer un N° de publication, de demande ou de priorité ?
- » Quelle est la différence entre les Classifications CIB et ECLA ?
- » Comment entrer une période comprise entre 2 dates ?
- » Comment savoir quel est le document le plus récent disponible pour un pays donné ?

Recherche avancée

1. Base de données

Base FR-esp@cenet= FR + EP + WO, en français

Choisissez:

2. Critères de recherche

Entrez vos mots-clés en français sur la base FR-esp@cenet, en anglais sur la base Worldwide.

Mots-clés dans le titre:	<input type="text"/>	e.g. motor
Mots-clés dans le titre ou l'abrégié:	<input type="text" value="modélisation protéine"/>	e.g. hair
N° de publication:	<input type="text"/>	e.g. EP1883031
N° de demande:	<input type="text"/>	e.g. EP20070010825
N° de priorité:	<input type="text"/>	e.g. DE20021036409
Date de pub:	<input type="text"/>	e.g. 20070919
Demandeur(s):	<input type="text" value="CNRS"/>	e.g. IBM
Inventeur(s):	<input type="text"/>	e.g. Siemens
Classification européenne (ECLA):	<input type="text"/>	
Classification internationale des brevets (CIB):	<input type="text"/>	e.g. H02M7/537 H03K17/687

Recherche rapide

Recherche avancée

Recherche par N°

Dernière liste de résultats

Ma liste de brevets 0

Recherche dans la
Classification

Aide

Aide rapide

- » Pourquoi la liste de résultats affiche-t-elle seulement 500 réponses ?
- » Pourquoi le nombre de résultats est-il parfois « approximatif » ?
- » Pourquoi ai-je parfois

 Compact | Imprimer | Export

Reformuler votre recherche

LISTE DES RESULTATS

1 résultat trouvé dans la base de données FR - esp@cenet pour:

modélisation protéine dans le titre ou l'abrégé AND CNRS comme demandeur

(Les résultats sont triés par date de mise à jour dans la base de données)

1

**PROCEDE DE MODELISATION DE STRUCTURES TOPOLOGIQUES
TRIDIMENSIONNELLES D'UNE PROTEINE**dans ma liste de brevets

Inventeur: WALDISPUHL JEROME MICHEL GEORG
[FR] ; STEYAERT JEAN-MARC [FR]
CE

Demandeur: ECOLE POLYTECH [FR] ; CENTRE NAT RECH
SCIENT [FR] (+2)
CIB: (IPC1-7): G06F19/00

Publication: WO2006032949 (A1) — 2006-03-30

Données issues de la base de données — FR - esp@cenet

Dans ma liste de brevets | Imprimer

[Retour à la liste de résultats](#)

PROCEDE DE MODELISATION DE STRUCTURES TOPOLOGIQUES TRIDIMENSIONNELLES D'UNE PROTEINE

Données bibliographiques

Description

Revendications

Mosaïque

Document original

Situation juridique INPADOC

N° de brevet: WO2006032949 (A1)

Date de pub: 2006-03-30

Inventeur(s): WALDISPUHL JEROME MICHEL GEORG [FR]; STEYAERT JEAN-MARC [FR]

Demandeur(s): ECOLE POLYTECH [FR]; CENTRE NAT RECH SCIENT [FR]; WALDISPUHL JEROME MICHEL GEORG [FR]; STEYAERT JEAN-MARC [FR]

Classification:

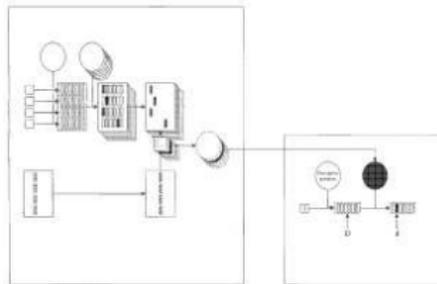
 - **internationale:** (IPC1-7): G06F19/00

 - **européenne:**
N° de demande: WO2004IB03320 20040924

N°(s) de priorité: WO2004IB03320 20040924

[Voir le Registre européen](#)
[Signaler une erreur sur les données](#)
Abrégé pour WO 2006032949 (A1)

L'invention concerne un procédé de modélisation des structures topologiques tridimensionnelles d'une protéine à modéliser à partir de la séquence linéaire d'acides aminés de ladite protéine à modéliser, ledit procédé étant caractérisé en ce qu'il modélise la structure de ladite protéine à modéliser par une description recourant à une grammaire sans contexte.


[Recherche rapide](#)
[Recherche avancée](#)
[Recherche par N°](#)
[Dernière liste de résultats](#)
[Ma liste de brevets](#) **0**
[Recherche dans la Classification](#)
[Aide](#)
Aide rapide

- » Pourquoi certains onglets sont-ils désactivés ?
- » A quoi correspond la liste de documents avec l'en-tête "Également publié en tant que" ?
- » Que signifient les codes A1, A2, A3, B ... etc placés après un N° de publication ?
- » Qu'est-ce qu'un document cité ?
- » A quoi correspondent les documents citants ?
- » Quelle information trouver par le lien "Vue du document dans le Registre européen" ?
- » Pourquoi s'affiche parfois l'abrége d'un document correspondant ?
- » Pourquoi n'y a-t-il pas d'abrégeés pour les documents XP ?
- » Qu'est-ce qu'une mosaïque ?

Recherche avancée

[Recherche rapide](#)
[Recherche avancée](#)
[Recherche par N°](#)
[Dernière liste de résultats](#)
[Ma liste de brevets](#) 0
[Recherche dans la Classification](#)
[Aide](#)

Aide rapide

- » Quelle couverture pour chacune des bases de données ?
- » Combien de termes puis-je entrer dans chaque champ ?
- » Comment rechercher sur une combinaison de mots ?
- » Comment utiliser des troncatures ?
- » Qu'est-ce qu'un N° de publication, de demande ou de priorité ?
- » Comment entrer un N° de publication, de demande ou de priorité ?
- » Quelle est la différence entre les Classifications CIB et ECLA ?
- » Comment entrer une période comprise entre 2 dates ?
- » Comment savoir quel est le document le plus récent disponible pour un pays donné ?

1. Base de données

Base FR-esp@cenet= FR + EP + WO, en français

Choisissez:

2. Critères de recherche

Entrez vos mots-clés en français sur la base FR-esp@cenet, en anglais sur la base Worldwide.

Mots-clés dans le titre:	<input type="text" value=""/>	plastic and bicycle
Mots-clés dans le titre ou l'abrégié:	<input type="text" value="bioinformatics and proteomics"/>	hair
N° de publication:	<input type="text" value=""/>	WO2008014520
N° de demande:	<input type="text" value=""/>	DE19971031696
N° de priorité:	<input type="text" value=""/>	WO1995US15925
Date de pub:	<input type="text" value=""/>	yyyymmdd
Demandeur(s):	<input type="text" value=""/>	Institut Pasteur
Inventeur(s):	<input type="text" value=""/>	Smith
Classification européenne (ECLA):	<input type="text" value=""/>	F03G7/10
Classification internationale des brevets (CIB):	<input type="text" value=""/>	H03M1/12

[Recherche rapide](#)
[Recherche avancée](#)
[Recherche par N°](#)
[Dernière liste de résultats](#)
[Ma liste de brevets](#) **0**
[Recherche dans la Classification](#)
[Aide](#)
Aide rapide

- » Pourquoi la liste de résultats affiche-t-elle seulement 500 réponses ?
- » Pourquoi le nombre de résultats est-il parfois « approximatif » ?
- » Pourquoi ai-je parfois moins de résultats qu'avec l'ancien espacenet ?
- » Pourquoi ai-je parfois des résultats avec « Titre non disponible » ?
- » Que signifient les chiffres entre parenthèses ? Est-il possible de voir les noms ou les classifications manquantes ?
- » Pourquoi cliquer dans la case " dans ma liste de brevets " ?
- » Can I export the result list?
- » Qu'est-ce qu'un document XP ?
- » Can I sort the result list?

 Compact | Imprimer | Exporter

[Reformuler votre recherche](#)
LISTE DES RESULTATS

 5 résultats trouvés dans la base de données Worldwide pour :
bioinformatics proteomics dans le titre ou l'abrégié

 Critères de tri: **Date de chargement** | Date de priorité | Inventeur | Demandeur | Ecla

- | | |
|----------|--|
| 1 | A bioinformatics system for functional proteomics modelling dans ma liste de brevets <input type="checkbox"/> |
| | Inventeur : SOLOMON NEAL E [US] Demandeur : SOLOMON NEAL E [US]
CE G06F19/12 CIB : C12Q1/68 ; G01N33/48 ; G01N33/50 ; (+6)
Publication EP1607898 (A2) - 2005-12-21 Date de priorité : 2004-05-18
: EP1607898 (A3) - 2006-03-29 |
| 2 | E-GENECHIP ONLINE WEB SERVICE FOR DATA MINING dans ma liste de brevets <input type="checkbox"/>
BIOINFORMATICS |
| | Inventeur : WANG EUGENIA ; HALL WILLIAM CHRISTOPHER (+1) Demandeur : UNIV LOUISVILLE RES FOUND [US]
CE G01N27/447B3 ; G06F19/20 ; (+1) CIB : G01N27/447 ; G06F19/00 ; G06T9/00 ; (+5)
Publication WO03008963 (A1) - 2003-01-30 Date de priorité : 2001-07-18
: |
| 3 | E-GeneChip online web service for data mining bioinformatics dans ma liste de brevets <input type="checkbox"/> |
| | Inventeur : WANG EUGENIA [US] ; HALL WILLIAM CHRISTOPHER [US] (+1) Demandeur : UNIV LOUISVILLE RES FOUND [US]
CE G01N27/447B3A ; G06F19/20 ; (+2) CIB : G01N27/447 ; G06F19/00 ; G06T9/00 ; (+7)
Publication US2003099973 (A1) - 2003-05-29 Date de priorité : 2001-07-18
: |
| 4 | POLYPEPTIDE FINGERPRINTING METHODS, METABOLIC PROFILING, AND BIOINFORMATICS DATABASE dans ma liste de brevets <input type="checkbox"/> |
| | Inventeur : SCHNEIDER LUKE V [US] ; HALL MICHAEL P [US] (+2) Demandeur : TARGET DISCOVERY INC [US] ; SCHNEIDER LUKE V [US] (+3)
CE G01N27/447B3 ; G01N27/447B3A2 ; (+3) CIB : C07K1/26 ; C07K1/28 ; G01N27/447 ; (+14)
Publication WO0063683 (A1) - 2000-10-26 Date de priorité : 1999-04-20
: |
| 5 | Polypeptide fingerprinting methods and bioinformatics database system dans ma liste de brevets <input type="checkbox"/> |
| | Inventeur : SCHNEIDER LUKE V [US] ; HALL MICHAEL P [US] (+2) Demandeur : TARGET DISCOVERY INC [US]
CE B65G59/06B4 ; G01N27/447B3 ; (+4) CIB : B65G59/06 ; G01N27/447 ; B65G59/06 ; (+6)
Publication US6677114 (B1) - 2004-01-13 Date de priorité : 1999-04-20
: |

Google scholar

`http://scholar.google.fr/`

**thèses, livres, articles en pré/post publication
(archives ouvertes*), rapports, offres de stage...**

`* hal.archives-ouvertes.fr`

Scirus

`http://www.scirus.com`

~ Google Scholar

recherche par **type** de données (résumé, site web, pré-print) et **source** (éditeurs, serveurs d'archives)

LinkedIn / Viadeo

`http://www.linkedin.com`

`http://www.viadeo.com`

recherche par laboratoire / entreprise

au-delà : réseau (amis, collègues, congrès)

Exercice 1 : fiche d'identité

Fiche d'identité d'un laboratoire/entreprise en bioinformatique

Exercice 1 : fiche d'identité

Nom – site web – logo

Localisation des différents sites, effectifs, dirigeants/responsables

Labo : affiliations (Univ., Inserm, CNRS...), équipes, personnel

Entreprise : chiffre d'affaire (+ % pour la R&D), produits, technologies

Ex. 1 : thématiques & perspectives

**Quelle bioinformatique ? Quelles activités ?
Quelle(s) innovation(s) ?**

6 derniers articles/brevets

derniers recrutements

dernières offres d'emploi
site web, bioinfo, naturejobs...

dernières actualités

Ex. 1 : règles du jeu

~~ancien entreprise / labo~~ (cours, stages)

pro → entreprise

recherche → labo

→ présentation de 7' par binôme

Exercice 2 : LinkedIn

1. Créez-vous un compte chez LinkedIn

2. Remplissez-le **correctement**

formation, exp. pro., compétences, langues, loisirs

3. Rejoignez les groupes AMBI et JeBiF

Twitter

Définitions

Site de microblogage en 140 caractères

2010 : 25 milliards de tweets (793 / s)

abonnés (*followers*) / abonnements (*followings*)



Pierre Poulain

@pierrepo

Structural bioinformatics. Python. Science 2.0. Teaching. Humor. Science in France/French. Lecturer at Univ Paris Diderot - Paris 7.

<http://cupnet.net>

+ Suivre



Envoyez **follow pierrepo** par SMS au [shortcode de votre opérateur](#)

Tweets

Favoris

Abonnements

Abonnés

Listes ▾



pierrepo Pierre Poulain

The paper link bit.ly/sjVQyE - Really nice chrome extension to improve your bibliographic browsing in #PubMed (via Christel)

Il y a 1 heure



tomroud Tom Roud par pierrepo

Tiens, suite à ce billet de @tpoi timotheepoisot.fr/2011/11/get-yo..., voilà que je me demande si je ne devrais pas faire un blog pour mon vrai moi.

19 Nov



FigShare Mark Hahnel par pierrepo

Nice [#openaccess](#) [http://t.co/yZmubTK](#)



Contenu (↓ bof)



ladygaga Lady Gaga

I can't believe we got 6 Europe Music Awards nominations! I'm so happy! Only halfway through this album, + I can't believe how far its come.

18 Oct



dannaamae d a n n a a x3

fries + vanilla **ice cream** = BOMB !♥

Il y a 7 minutes

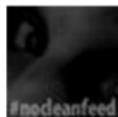


JulienJadot 🌄 + ✨ = 📷

J'ai été voir **Tintin** en 3D au **#cinéma**.

Il y a 3 heures

Contenu (↑ biblio)



neilfws Neil Saunders

Briefings in Bioinformatics Special Issue: Collaborative Bioinformatics and RNA Analysis bit.ly/u4WJSX

Il y a 17 heures



OpenHelix OpenHelix Staff

NAR database issue articles (advance access) are out, treasure trove of data & analysis tools: bit.ly/slyEub #genomics

18 Nov



freesci Pawel Szczesny

Simulating electrostatic energies in proteins; Perspectives and some recent studies of pKas, redox an... <http://twurl.nl/zd8r7f> #greader

16 Jul

Contenu (↑ technique)



neilfws Neil Saunders

How to let R use all the cores of the computer? - Stack Overflow

bit.ly/vi6yB7 #diigo

11 Nov



yokofakun Pierre Lindenbaum

RT [@brent_p](#) [@yokofakun](#) LC_ALL=C improves speed for things like grep too.

11 Aoû



molmodelblog Molecular Modeling

Cool! RT [@biochembelle](#): For structure-minded tweeps: New PyMOL avail. Python update, improved graphics, faster rendering, plus 64b. for Mac

8 Juin

Contenu (↑ culture)



molmodelblog Molecular Modeling

What are the best tools for protein function prediction?

<http://bit.ly/jfbURI>

22 Mai



molmodelblog Molecular Modeling

Important residues for protein-protein binding / interface prediction
(BioStar thread) <http://bit.ly/kHSUB4>

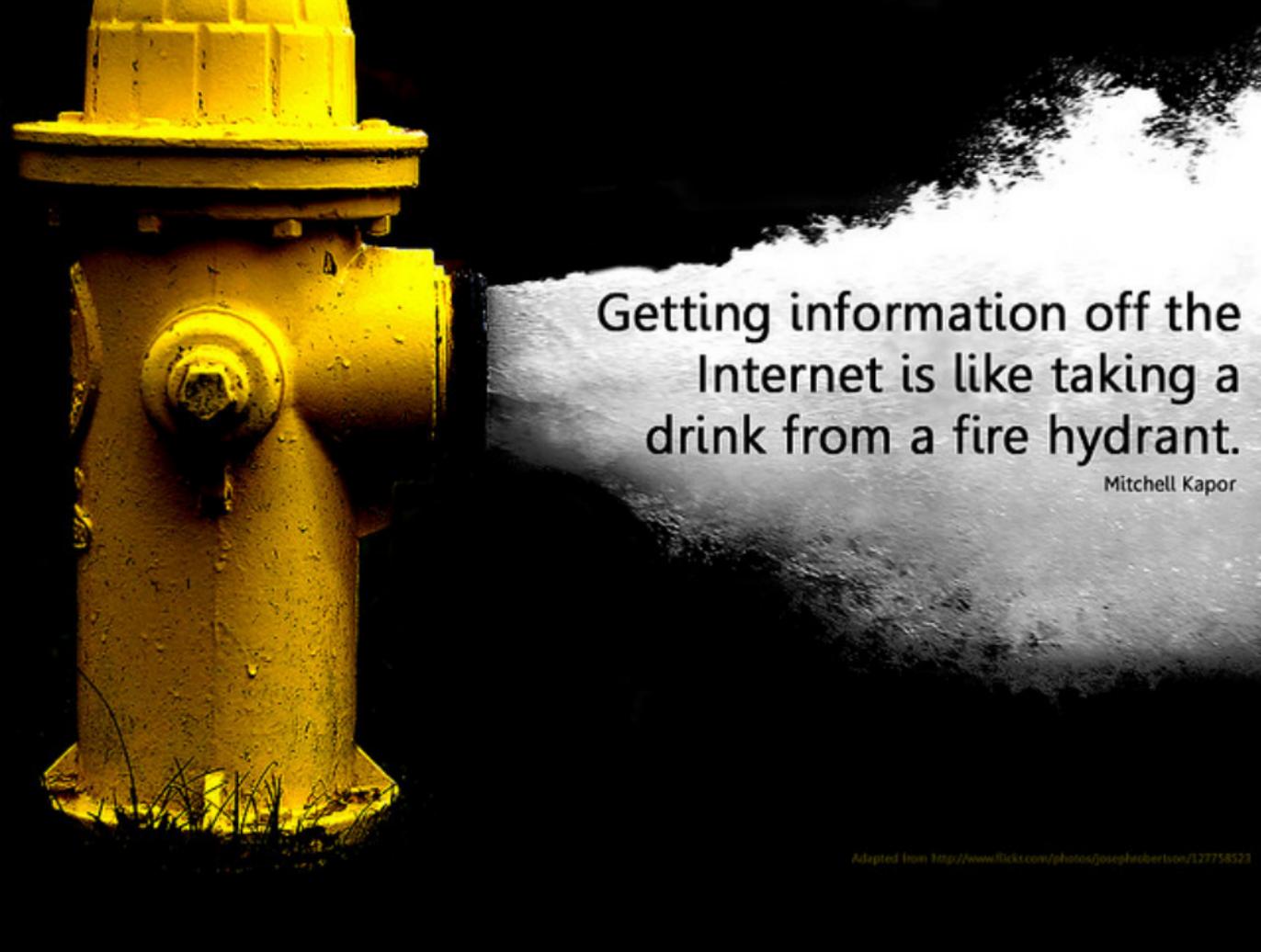
21 Mai



kbradnam Keith Bradnam

Interesting blog article on the appropriateness and utility of using
GPUs for bioinformatics larsjuhljensen.wordpress.com/2011/01/

9 Nov

A yellow fire hydrant is shown on the left side of the image. A stream of water is spraying from its side, creating a bright, misty plume that extends towards the right. The background is dark, making the yellow hydrant and the white water stand out.

Getting information off the
Internet is like taking a
drink from a fire hydrant.

Mitchell Kapor

Flux RSS

syndication & agrégation

One ring to rule them all



Syndication & flux RSS ?

Syndication de contenu web

= abonnement aux mises à jour

flux RSS (ATOM)



Agrégation & flux RSS ?

Firefox, Chrome, Opera, Safari

Thunderbird, RSSowl

Google Reader, Netvibes, Yahoo, MSN

Recent Research

Featured Discussions

Most Viewed

[Sparse Gamma Rhythms Arising through Clustering in Adapting Neuronal Networks](#)

[Robust Signal Processing in Living Cells](#)

[Deciphering the Arginine-Binding Preferences at the Substrate-Binding Groove of Ser/Thr Kinases by Computational Surface Mapping](#)

[Genome Majority Vote Improves Gene Predictions](#)

[Speed, Sensitivity, and Bistability in Auto-activating Signaling Circuits](#)

[Browse all recently published articles](#)

Publish with PLoS

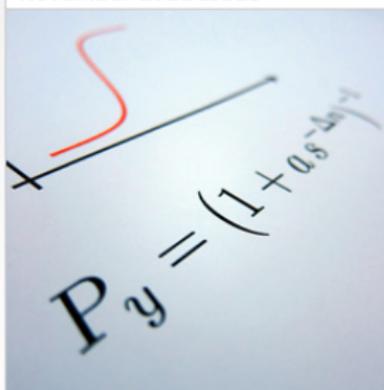
[We want to publish your work](#)

Have Your Say

[Add ratings and discussions](#)

Review

November 2011 Issue



PLoS Computational Biology is a peer-reviewed, open-access journal featuring works of exceptional significance that further our understanding of living systems at all scales



RSS Feeds

PLOS Computational Biology provides the following [RSS feeds](#) which are updated as new articles are posted:

> [New Articles](#)

- Ouvrir le lien dans un nouvel onglet
- Ouvrir le lien dans une nouvelle fenêtre
- Ouvrir le lien dans la fenêtre de navigation privée
- Enregistrer le lien sous...
- Copier l'adresse du lien

- AdBlock
- Cloud Save
- Inspect with Firebug Lite
- New Note
- Read this link later
- Partagez ce lien avec TweetDeck
- Shorten and copy link with bitly

used under a [Creative Commons Attribution License](#).

[Inquiries](#) [PLOS in Print](#) [Site Map](#) [PLOS.org](#)

by [Internet Systems Consortium](#).

Tous les éléments ▾



S'ABONNER



2 nouveaux éléments ▾

Tout marquer comme lu ▾

Paramètres des dossiers... ▾

Entrez un terme de recherche pour trouver des flux ou collez une URL de flux.

Ajouter

small heat shock **Structural and Mechanistic Implications of Metal-Binding in the Small Heat-Shock Protein α B-Crystallin**

Ex. : googleblog.blogspot.com ou Le Monde

PLoS Computational Biology **Deciphering the Arginine-Binding Preferences at the Substrate-Binding Groove of Ser/Thr Kinases by**

- ▼ **biblio (2)**
 - BMC Struct Biol
 - JMB
 - PLoS Computatio...** (1)
 - Proteins
 - pubmed: "small h...** (1)
 - pubmed: coarse gr...
 - pubmed: dugourd p
 - pubmed: normal m...
 - pubmed: protein do...
 - pubmed: spectrin
- ▼ sciences
 - bioinformatyk.eu
 - Science in the Open
 - Kermit Hirsche's Blog

PubMed

protein docking

Search

[Limits](#) [Advanced](#)

PubMed

PubMed comprises more than 21 million citations for biomedical literature from MEDLINE, life science journals, and books. Citations may include links to full-text content from PubMed Central and publisher web sites.

Using PubMed

[PubMed Quick Start Guide](#)[Full Text Articles](#)[PubMed FAQs](#)[PubMed Tutorials](#)[New and Noteworthy](#) 

PubMed Tools

[PubMed Mobile](#)[Single Citation Matcher](#)[Batch Citation Matcher](#)[Clinical Queries](#)[Topic-Specific Queries](#)

More Resources

[MeSH Database](#)[Journals in NCBI Databases](#)[Clinical Trials](#)[E-Utilities](#)[LinkOut](#)You are here: [NCBI](#) > [Literature](#) > [PubMed](#)

GETTING STARTED

RESOURCES

POPULAR

FEATURED

NCBI INFORM

Display Settings: Summary, 20 per page, Sorted by Recently Added

Send to

Filter your results:

Results: 1 to 20 of 800

<< First < Prev Page 1 of 40 Next > Last >>

All (800)

[Free Full Text \(30\)](#)[Review \(69\)](#)
 [Hot spots and transient pockets: Predicting the determinants of small-molecule binding to a protein-protein interface.](#)

1. Metz A, Pflieger C, Kopitz H, Pfeiffer-Marek S, Baringhaus KH, Gohlke H.

J Chem Inf Model. 2011 Nov 17. [Epub ahead of print]

PMID: 22087639 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)
 [Restricted heterochromatin formation links NFATc2 repressor activity with growth promotion in pancreatic cancer.](#)

2. Baumgart S, Giesel E, Singh G, Chen NM, Reutlinger K, Zhang J, Billadeau DD, Fernandez-Zapico ME, Gress TM, Singh SK, Ellenrieder V.

Gastroenterology. 2011 Nov 9. [Epub ahead of print]

PMID: 22079596 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)
 [Protein-Protein Binding Sites Prediction by 3D Structural Similarities.](#)

3. Guo F, Li S, Wang L.

J Chem Inf Model. 2011 Nov 12. [Epub ahead of print]

PMID: 22077765 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)
 [Surface-histogram: A new shape descriptor for protein-protein docking.](#)

4. Gu S, Koehl P, Hass J, Amenta N.

Proteins. 2011 Sep 14. doi: 10.1002/prot.23192. [Epub ahead of print]

PMID: 22072544 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)

Titles with your s

Are scoring functions ready to predict intera

Structural characteriz complexes by integra

Recent progress and **protein docking**

221 free full-text Central

SCOWLP update: 3D **protein**, -peptide, -sac

Prediction of protein-b residue networks and

Prediction of functiona globular proteins from

PubMed protein-protein docking

Search

[RSS](#) [Save search](#) [Limits](#) [Advanced](#)
[Display Settings:](#) Summary, 20 per page

[Send to:](#)

Filter your results:

All (800)

[Free Full Text \(30\)](#)
[Review \(69\)](#)

Results: 1 to 20 of 800

<< First < Prev Page 1 of 40 Next > Last >>

 [Hot spots and transient pockets in protein-protein interfaces](#)

1. Metz A, Pflieger C, Kopitz I, Gohlke H.
J Chem Inf Model. 2011 Nov 14;51(11):2208-2216.
PMID: 22087639 [PubMed - as supplied by publisher]
[Related citations](#)

RSS Settings

Search: protein-protein docking

Number of items displayed:

15

Feed name:

protein-protein docking

[small-molecule binding to a protein-protein interface](#),
Gohlke H.

 [Restricted heterochromatin formation links NFATc2 repressor activity with growth promotion in pancreatic cancer](#)

2. Baumgart S, Giesel E, Singh G, Chen NM, Reutlinger K, Zhang J, Billadeau DD, Fernandez-Zapico ME, Gress TM, Singh SK, Ellenrieder V.
Gastroenterology. 2011 Nov 9. [Epub ahead of print]
PMID: 22079596 [PubMed - as supplied by publisher]
[Related citations](#)

 [Protein-Protein Binding Sites Prediction by 3D Structural Similarities](#)

3. Guo F, Li S, Wang L.
J Chem Inf Model. 2011 Nov 12. [Epub ahead of print]
PMID: 22077765 [PubMed - as supplied by publisher]
[Related citations](#)

 [Surface-histogram: A new shape descriptor for protein-protein docking](#)

4. Gu S, KoeHL P, Hass J, Amenta N.
Proteins. 2011 Sep 14. doi: 10.1002/prot.23192. [Epub ahead of print]
PMID: 22072544 [PubMed - as supplied by publisher]
[Related citations](#)

Titles with your search

Are scoring functions ready to predict interactions?

Structural characterization of protein-protein complexes by integrative approaches

Recent progress and perspectives in protein docking

221 free full-text Central

SCOWLP update: 3D protein-protein docking

Prediction of protein-protein interaction residue networks and interfaces

Prediction of functional protein-protein interaction globular proteins from

RSS Feed

protein-protein docking: XML

Display Settings: Summary, 20

Send to:

Filter your results:

Results: 1 to 20 of 800

<< First < Prev Page 1 of 40 Next > Last >>

All (800)

[Free Full Text \(30\)](#)[Review \(69\)](#)
 [Hot spots and transient pockets: Predicting the determinants of small-molecule binding to a protein-protein interface.](#)

1. Metz A, Pflieger C, Kopitz H, Pfeiffer-Marek S, Baringhaus KH, Gohlke H.

J Chem Inf Model. 2011 Nov 17. [Epub ahead of print]

PMID: 22087639 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)
 [Restricted heterochromatin formation links NFATc2 repressor activity with growth promotion in pancreatic cancer.](#)

2. Baumgart S, Giesel E, Singh G, Chen NM, Reutlinger K, Zhang J, Billadeau DD, Fernandez-Zapico ME, Gress TM, Ellenrieder V.

Gastroenterology. 2011 Nov 9. [Epub ahead of print]

PMID: 22079596 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)
 [Protein-Protein Binding Sites Prediction by 3D Structural Similarities.](#)

3. Guo F, Li S, Wang L.

J Chem Inf Model. 2011 Nov 12. [Epub ahead of print]

PMID: 22077765 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)
 [Surface-histogram: A new shape descriptor for protein-protein docking.](#)

4. Gu S, Koehl P, Hass J, Amenta N.

Proteins. 2011 Sep 14. doi: 10.1002/prot.23192. [Epub ahead of print]

PMID: 22072544 [PubMed - as supplied by publisher]

[Related citations](#)**Titles with your s**

Are scoring functions ready to predict intera

Structural characteriz complexes by integra

Recent progress and **protein docking****221 free full-text Central**SCOWLP update: 3D **protein**, -peptide, -sac

Prediction of protein-b residue networks and

Prediction of functiona globular proteins from

Results: 1 to 20 of 800

Hot spots and transient pockets: Predicting the determinant of protein-protein docking

1. Metz A, Pfleger C, Kopitz H, Pfeiffer-Marek S, Barington J. *J Chem Inf Model*. 2011 Nov 17. [Epub ahead of print] PMID: 22087639 [PubMed - as supplied by publisher] [Related citations](#)

Restricted heterochromatin formation links NFATc2 to gastroenterology

2. Baumgart S, Glesel E, Singh G, Chen NM, Reutlinger S. *Gastroenterology*. 2011 Nov 9. [Epub ahead of print] PMID: 22079596 [PubMed - as supplied by publisher] [Related citations](#)

Protein-Protein Binding Sites Prediction by 3D Structural Analysis

3. Guo F, Li S, Wang L. *J Chem Inf Model*. 2011 Nov 12. [Epub ahead of print] PMID: 22077785 [PubMed - as supplied by publisher] [Related citations](#)

Surface-histogram: A new shape descriptor for protein-protein docking

4. Gu S, Koehl P, Hass J, Amenta N. *Proteins*. 2011 Sep 14. doi: 10.1002/prot.23192. [Epub ahead of print] PMID: 22072544 [PubMed - as supplied by publisher] [Related citations](#)

RSS Feed

protein-protein docking: XML

- Ouvrir le lien dans un nouvel onglet
- Ouvrir le lien dans une nouvelle fenêtre
- Ouvrir le lien dans la fenêtre de navigation privée
- Enregistrer le lien sous...
- Copier l'adresse du lien
- Enregistrer l'image sous...
- Copier l'URL de l'image
- Copier l'image
- Ouvrir l'image dans un nouvel onglet

- AdBlock
- Cloud Save
- Inspect with Firebug Lite
- New Note
- Read this link later
- Search Google with this image
- Partagez ce lien avec TweetDeck
- Shorten and copy link with bitly
- Procéder à l'inspection de l'élément

interface.

s TM, Singh SK, Ellenrieder V.

All (800)

Free Full Text (302)

Review (69)

Titles with your search terms

Are scoring functions in ready to predict interactions

Structural characterization of protein-protein complexes by integrative

Recent progress and future protein docking.

221 free full-text articles in Central

SCOWLP update: 3D docking of protein, -peptide, -saccharide

Prediction of protein-protein residue networks and docking

Prediction of functional globular proteins from

Tous les éléments ▾



S'ABONNER



2 nouveaux éléments ▾

Tout marquer comme lu ▾

Paramètres des dossiers... ▾

Entrez un terme de recherche pour trouver des flux ou collez une URL de flux.

Ajouter

small heat shock **Structural and Mechanistic Implications of Metal-Binding in the Small Heat-Shock Protein α B-Crystallin**

Ex. : googleblog.blogspot.com ou Le Monde

PLoS Computational Biology **Deciphering the Arginine-Binding Preferences at the Substrate-Binding Groove of Ser/Thr Kinases by**

- ▼ **biblio (2)**
 - BMC Struct Biol
 - JMB
 - PLoS Computatio...** (1)
 - Proteins
 - pubmed: "small h...** (1)
 - pubmed: coarse gr...
 - pubmed: dugourd p
 - pubmed: normal m...
 - pubmed: protein do...
 - pubmed: spectrin
- ▼ sciences
 - bioinformatyk.eu
 - Science in the Open
 - Kermit Hirsche's Blog

Et les autres

Les autres (réseaux sociaux)

ResearchGate

MyScienceWork

Mendeley

groupes de LinkedIn

...

Références

L'utilisation des bases de brevets – K. Speck – Docteurs & Co, juin 2009

www.abg.asso.fr/Content/Editor/Documents/dc/dc22.pdf

Application – E. J. – Docteurs & Co, juin 2009

www.abg.asso.fr/Content/Editor/Documents/dc/dc22.pdf

MEDLINE Citation Counts by Year of Publication

http://www.nlm.nih.gov/bsd/medline_cit_counts_yr_pub.html

There are 25,400 scientific journals and their number is increasing by 3.5% a year

<http://casesblog.blogspot.com/2011/03/there-are-25400-scientific-journals-and.html>

Crédits graphiques



Xander (Wikimedia, public domain)



Will Lion (Flickr, CC-BY-NC-ND)



(Wikimedia, GPL)



(Wikimedia, CC-BY-SA)